METILAÇÃO DOS GENES ER, PR E RAR-β2, PRESENÇA DE HPV E CORRELAÇÃO COM CARACTERÍSTICAS TUMORAIS EM AMOSTRAS DE CÂNCER DE MAMA

ALINE LOPES AMARAL¹ LUDMILA GONÇALVES ENTIAUSPE² PABLO ELIAS MARTINEZ³

O câncer de mama é o tipo mais freqüente entre as mulheres e a principal causa de óbito feminino por câncer. São estimados 48.930 novos casos para o Brasil em 2006, com um risco de 52 casos a cada 100 mil mulheres, e 69/100.000 na região Sul. A metilação dos genes ER, PR e RAR-β2 desempenha o papel mais importante no desenvolvimento e progressão do câncer, estando possivelmente relacionada à progressão da doença e podendo ser validada como ferramenta de previsão prognóstica e/ou diagnóstica, com perspectivas de expansão a outros promotores suscetíveis a metilação. A presença do HPV como agente etiológico do câncer de mama é controversa, não sendo claras as características relacionadas à presença do HPV no tecido tumoral, bem como o papel do vírus na metilação do DNA de genes críticos. O objetivo do projeto é relacionar a expressão e metilação dos genes dos ERs, PRs e RAR-β2 e a presença de HPV com características tumorais e clínicas em pacientes com câncer de mama, a partir do DNA do tecido tumoral e através de PCR metilação-específico.

Descritores: Câncer de mama, metilação de receptores, HPV.

¹ Discente – Universidade Federal do Rio Grande.

² Doutoranda em Ciências da Saúde.

³ Docente do Instituto de Ciências Biológicas – Universidade Federal do Rio Grande; Doutor pela UFMG.